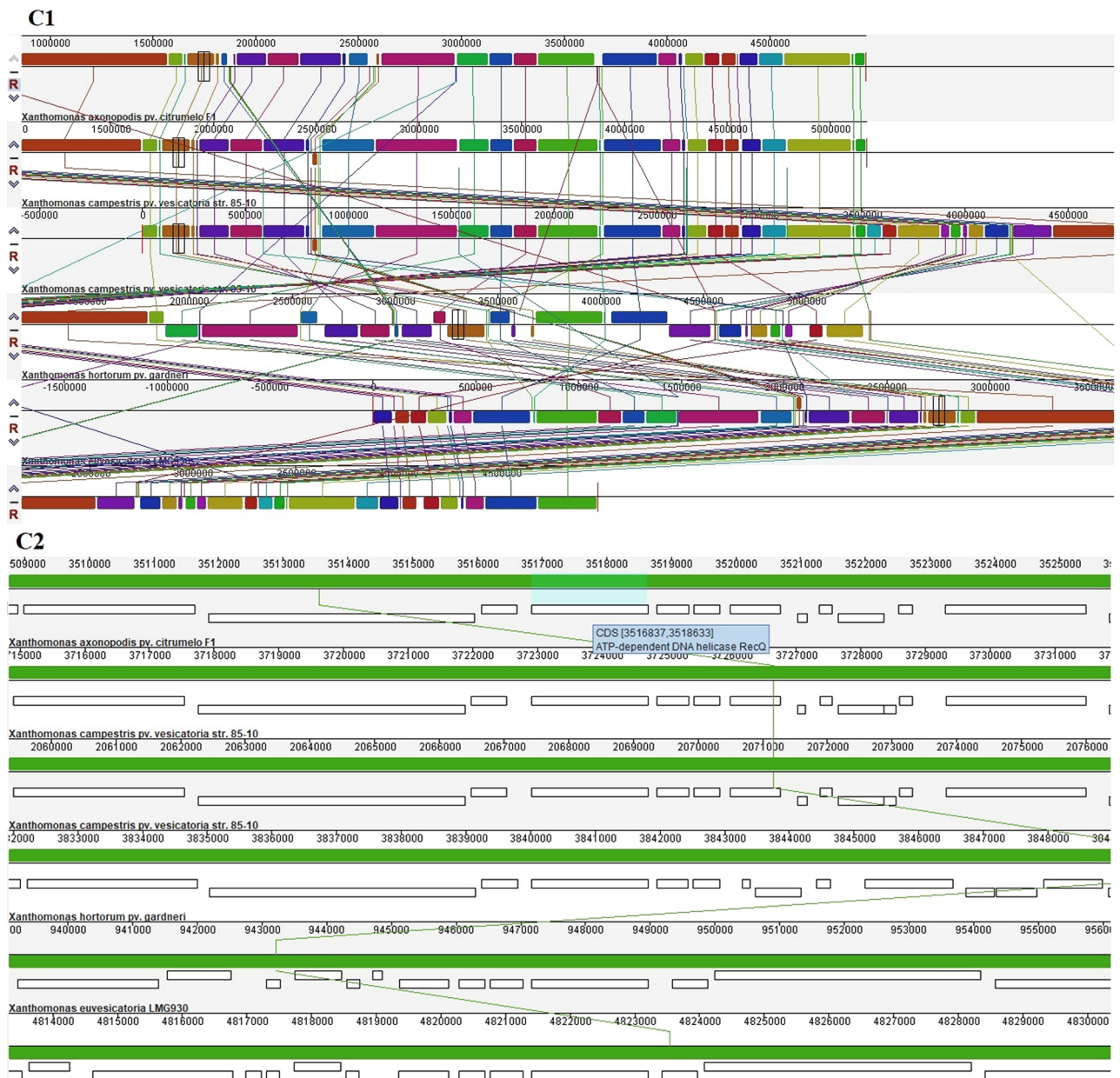


Supplementary Table 3. Polymerase chain reaction assay specificity test of primers

No.	Bacterium	Strains	HrpB1	HrpB2	RecQ
1	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	Xeu1	+	+	+
2	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	Xeu2	+	+	+
3	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	Xeu3	+	+	+
4	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeMu1	+	+	+
5	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeMu2	+	+	+
6	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeMu3	+	+	+
7	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeMu4	+	+	+
8	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeMu5	+	+	+
9	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeMu6	+	+	+
10	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeMu7	+	+	+
11	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeMu8	+	+	+
12	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeMu9	+	+	+
13	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeMu10	+	+	+
14	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeHr1	+	+	+
15	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeHr2	+	+	+
16	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeHr3	+	+	+
17	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeHr4	+	+	+
18	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeHr5	+	+	+
19	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeHr6	+	+	+
20	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeHr7	+	+	+
21	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeHr8	+	+	+
22	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeHr9	+	+	+
23	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeHr10	+	+	+
24	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeQi1	+	+	+
25	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeQi2	+	+	+
26	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeQi3	+	+	+
27	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeQi4	+	+	+
28	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeQi5	+	+	+
29	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeQi6	+	+	+
30	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeQi7	+	+	+
31	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeQi8	+	+	+
32	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeQi9	+	+	+
33	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeQi10	+	+	+
34	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeSu1	+	+	+
35	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeSu2	+	+	+
36	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeSu3	+	+	+
37	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	XeSu4	+	+	+
38	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	V1	+	+	+
39	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	V2	+	+	+
40	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	V3	+	+	+
41	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	V4	+	+	+
42	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	V5	+	+	+
43	<i>Xanthomonas euvesicatoria</i>	T	+	+	+

44	<i>Xanthomonas vesicatoria</i>	Xv1	-	-	-
45	<i>Xanthomonas vesicatoria</i>	Xv2	-	-	-
46	<i>Xanthomonas gardneri</i>	Xg1	-	-	-
47	<i>Xanthomonas gardneri</i>	Xg2	-	-	-
48	<i>Xanthomonas perforans</i>	Xp1	-	+	-
49	<i>Xanthomonas perforans</i>	Xp2	+	-	+
50	<i>Xanthomonas oryzae</i> pv. <i>oryzae</i>	YH	-	-	-
51	<i>Pseudomonas syringae</i> pv. <i>syringae</i>	Pss1	-	-	-
52	<i>Pseudomonas syringae</i> pv. <i>syringae</i>	Pss2	-	-	-



Supplementary Fig. 1. Alignment of whole genomes of *Xanthomonas euvesicatoria*, *X. perforans*, *X. vesicatoria*, *X. gardneri*, *X. axonopodis* pv. *citrumelo*, and *X. campestris* pv. *vesicatoria* for selection and location of target specific gene RecQ through progressive mauve alignment.